## DIE BILDUNG VON AMINOMALONSÄURE-DERIVATEN ALS NEBENREAKTION VON VIERKOMPONENTEN-KONDENSATIONEN (4CC) UND DIE RÖNTGENOGRAPHISCHE ERMITTLUNG DER STRUKTUR EINES VERTRETERS

Alfred Gieren<sup>†</sup> und Bernhard Dederer, Max-Planck-Institut für Biochemie, Abteilung für Strukturforschung I, 8033 Martinsried

Gudrun George, Dieter Marquarding und Ivar Ugi, Organisch-chemisches Institut der Technischen Universität, 8000 München 2, Arcisstr. 21

(Received in Germany 14 February 1977; received in UK for publication 18 March 1977)

Bei Versuchen, Vierkomponenten-Kondensationen (4CC) in extrem verdünnter methanolischer Lösung durchzuführen, konnten Produkte (6) isoliert werden, die sich von Aminomalonsäure ableiten (s. unten). Mit zunehmender Verdünnung und Reaktionsdauer nimmt die Ausbeute des erwarteten 4CC-Produktes (5) im allgemeinen ab, während die des Nebenproduktes (6) ansteigt, dessen Bildung aufgrund des Mechanismus der 4CC nicht vorhersehbar war. Das 4CC-Produkt (5c) entsteht bei hinreichender Verdünnung nicht mehr; es kann nur (6c) und sein Folgeprodukt (7) isoliert werden, das sich auch aus (6b) bei Behandlung (1 h, 20°) mit Trifluoressigsäure darstellen läßt².

1504 No. 18

Es ist bemerkenswert, daß die 4CC-Nebenprodukte (6) in Abwesenheit der Aldehydkomponente (3) nicht gebildet werden, obwohl sie deren Bestandteile nicht enthalten.

Für die Röntgenstrukturanalyse wurden aus Petroläther (60 -  $80^{\circ}$ ) gewonnene orthorhombische Kristalle mit prismatischem Habitus verwendet. Die Raumgruppe ist  $P2_12_12_1$ :  $a = 18,09_2$ ,  $b = 8,56_5$ ,  $c = 16,68_0$  Å;  $D_{exp} = 1,12_7$  g·cm<sup>-3</sup>; Z = 4;  $D_{ber} = 1,12_4$  g·cm<sup>-3</sup>. Auf einem automatischen Einkristall-Diffraktometer wurden mit Cu Kq-Strahlung 2719 unabhängige Reflexe bis zu einem maximalen  $\theta$ -Wert von  $70^{\circ}$  vermessen (5-Wert-Messung,  $\theta/2\theta$ -Abtastung); 1191 Reflexe waren unbeobachtet ( $I \le 2\sigma_T$ ).

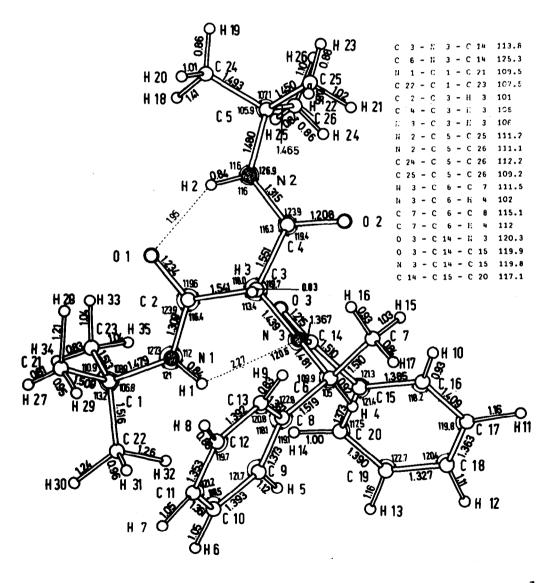
Die Lösung der Struktur erfolgte mit direkten Methoden. Eine E-Fourier-Synthese mit 299 phasierten Reflexen bildete sogleich alle C, N und O-Atome ab. Die Verfeinerung der Struktur wurde nach der Methode der kleinsten Quadrate zunächst mit isotropen, dann anisotropen Temperaturparametern bis zu einem R-Wert von 8,6% durchgeführt. Eine in diesem Stadium berechnete Differenz-Fourier-Synthese erlaubte die Lokalisierung der H-Atome. Unter Einbeziehung der H-Atome mit isotropen Temperaturparametern in die Verfeinerung konvergierte der R-Wert bei 5,9% für die beobachteten Reflexe.

Die Röntgenstrukturanalyse ergab für (6a) die Struktur eines (S)-N,N'-Ditert.-butyl-2-[N-(1-phenyläthyl)benzamido]malonamids. - Die S-Konfiguration ist vorgegeben durch die eingesetzte Aminkomponente. - Das Molekül enthält drei Säureamidgruppierungen (s. Abb.). Die Konfiguration der Amidbindungen im Malonamidteil des Moleküls (N1-C2 und N2-C4) entspricht derjenigen der Säureamidbindung in Peptiden, bei denen auch eine trans-Anordnung des Carbonyl-Sauerstoffs und des Wasserstoffs am Stickstoff vorliegt. An der dritten Amidbindung C14-N3 nehmen der Carbonyl-Sauerstoff O3 und der α-Phenyläthylrest eine trans-Stellung zueinander ein.

Die Konformation des Moleküls wird durch zwei innermolekulare Wasserstoffbrücken stabilisiert. Eine dieser H-Brücken wird zwischen einem N-H-Wasserstoff (H2) als Donor und einem Carbonyl-Sauerstoff (O1) als Akzeptor ausgebildet und ergibt einen innermolekularen Sechsring. Auch der zweite N-H-Wasserstoff (H1) bildet eine H-Brücke, jedoch nicht zu einem Carbonyl-Sauerstoff, sondern in ungewöhnlicher Weise zu einem Amidstickstoff (N3) als Akzeptor, wobei ein innermolekularer Fünfring entsteht.

Die von N3 ausgehenden Bindungen N3-C14 und N3-C3 sind bemerkenswert, denn die partielle Doppelbindung N3-C14 ist mit 1,367 Å signifikant länger als die analogen Bindungen N1-C2 mit 1,309 Å und C4-N2 mit 1,315 Å. Die Einfachbindung N3-C3 des Typs sp<sup>2</sup>-sp<sup>3</sup> ist dagegen mit 1,439 Å signifikant kürzer als die praktisch gleich langen Bindungen N3-C6: 1,481 Å, N2-C5: 1,480 Å und N1-C1: 1,479 Å. Hieraus läßt sich schließen, daß das freie Elektronenpaar an N3 weniger delokalisiert ist als an N1 und N2. Durch die zweifache C=O-Substitution an C3 wird

induktiv Elektronendichte in die Bindung N3-C3 gezogen, wodurch in der Amidresonanz das Gewicht der ionischen Grenzstruktur verringert wird. Die Folge davon ist eine Verkürzung der N3-C3-Bindung und eine Verlängerung der N3-C14-Bindung, sowie eine Erhöhung der Basizität und eine Verstärkung der Protonenakzeptor-Eigenschaften von N3. Auch die C=O-Abstände sind unterschiedlich lang. Erwartungsgemäß ist die als H-Akzeptor fungierende C=O-Bindung (C2-O1: 1,234 Å) länger als die beiden anderen C=O-Bindungen (C4-O2: 1,208 Å; C14-O3: 1,215 Å).



Molekülstruktur des (S)-N,N'-Di-tert.-butyl-2-[N-(1-phenyläthyl)benzamido] malonamids (6a). Die Standardabweichungen der angegebenen Bindungslängen und -winkel betragen im Mittel 0,005 Å (C-H: 0,04 Å) bzw. 0,3°.

## Darstellung von (S)-N,N'-Di-tert.-butyl-2-[N-(1-phenyläthyl)benzamido] malonamid (6a):

In eine Lösung von 1,21 g (10 mMol) (S)- $\alpha$ -Phenyläthylamin (2a), 1,34 g (10 mMol) Hydratropaaldehyd (3a) und 1,22 g (10 mMol) Benzoesäure (1) in 350 ml Methanol tropft man bei 0° unter Rühren 1,14 ml (10 mMol) tert.-Butylisocyanid (4) und läßt 24 h bei 0° stehen. Zur Aufarbeitung versetzt man mit Wasser, schüttelt mit Chloroform aus, wäscht die organische Phase mit 1 N Salzsäure und 1 N Natronlauge, trocknet mit Natriumsulfat und engt i. Vak. ein. Aus dem Rückstand werden durch Chromatographie (Kieselgel 60, Merck/Darmstadt, Petroläther (60 - 80°) - Essigester 3: 1 als Laufmittel) 0,20 g (6a) von den 4CC-Produkten (5a) abgetrennt.

				<sup>1</sup> H-NMR (CDCl <sub>3</sub> ; TMS: O ppm)					
Formel Nr.	Fp.		[a] <sup>20</sup> (CH <sub>3</sub> OH)		δ[ppm] CO-C <u>H</u> -CO	(Multiplizit R <sup>1</sup> R <sup>2</sup> C <u>H</u>	ät; J [Hz]) R <sup>2</sup>	PhCO	R <sup>1</sup>
(6a) - (S)	142 <sup>0</sup>	437 (437,6)	1 :	1,11(s) 1,37(s)	4,09(s)	5,18(q;7,2)	1,62(d;7,2)	7,28;	<b>7,</b> 5
(6b) - (R)	150 <sup>0</sup>	545 (545,5)		1,20(s) 1,37(s)	~4,1	4,90(q;7,0)	1,57(d;7,0)	i '	4,02 ~4,2
(6c) (rac.)	168 <sup>©</sup>	573 (573,6)		1,26(s) 1,37(s)	4,60(s)	4,83(d;9,0)	0,8-1,2(m) 1,7-2,2(m)	7,5 (s)	4,04 ~4,2
(7)	208 <sup>0</sup>	 (333,4)	o°	1,35(s)	4,88 (d;5,0)			7,1- 7,8	

Tabelle physikalischer Daten der Aminomalonsäure-Derivate (6) und (7)

Die bei der TUM beschäftigten Verfasser danken der Deutschen Forschungsgemeinschaft für Förderung der Untersuchungen.

## LITERATUR

- 1 a) I. Ugi und G. Kaufhold, Liebigs Ann. Chem. 709, 11 (1967)
  - b) G. Gokel, G. Lüdke und I. Ugi, in I. Ugi (Hrsg.): "Isonitrile Chemistry". Academic Press, New York und London 1971, Kapitel 8
- 2 a) D. Marquarding, P. Hoffmann, H. Heitzer und I. Ugi, J. Amer. Chem. Soc. 92, 1969 (1970)
  - b) R. Urban, G. Eberle, D. Marquarding, D. Rehn, H. Rehn und I. Ugi, Angew. Chem. 88, 644 (1976); Angew. Chem. Internat. Edit. <u>15</u>, 627 (1976)